

ANALYTICKÉ METODY PRO STANOVENÍ METALOTHIONEINŮ[†]

HANA VODIČKOVÁ^a, VĚRA PACÁKOVÁ^b,
IVANA ŠESTÁKOVÁ^c a PAVEL MADER^a

^aKatedra chemie, Agronomická fakulta, Česká zemědělská univerzita, 165 21 Praha 6, ^bKatedra analytické chemie, Přírodovědecká fakulta, Univerzita Karlova, Albertov 2030, 128 40 Praha 2, ^cÚstav fyzikální chemie J. Heyrovského, Akademie věd České republiky, Dolejškova 3, 182 23 Praha 8, e-mail: vodickova@af.czu.cz

Došlo dne 16.XI.2000

Klíčová slova: metalothioneiny, analytické metody

Obsah

1. Úvod
2. Izolační postupy
3. Metody stanovení nezahrnující separaci
 - 3.1. Saturační metody
 - 3.2. Imunochemické metody
 - 3.3. Elektrochemické metody
4. Chromatografické metody s UV VIS, fluorimetrickou a elektrochemickou detekcí
 - 4.1. Vylučovací chromatografie
 - 4.2. Iontově výměnná chromatografie
 - 4.3. Afinitní chromatografie
 - 4.4. Reverzní HPLC
5. Elektroforetické metody
6. Přímé spojení HPLC a CE s dalšími detekčními technikami
 - 6.1. AAS detekce
 - 6.2. ICP AES a ICP MS detekce
 - 6.3. HPLC-ESI MS (/MS) detekce
7. Závěr

1. Úvod

Metallothioneiny (MT) byly charakterizovány jako nízkomolekulární proteiny a polypeptidy s vysokým obsahem cysteinu a schopností tvorby komplexů s ionty těžkých kovů. Název metallothionein byl poprvé použit v roce 1957 pro protein izolovaný z koňských ledvin. Na základě chemické struktury byly MT rozděleny do 3 tříd:

MT I. třídy – živočišné metallothioneiny,

61 aminokyselin, bez přítomnosti aromatických kyselin, 20 cysteinových zbytků koordinuje 7 dvojvazných nebo 12 jednovazných iontů kovů do dvou klastrů, M_r 6000–7000 (apometallothioneiny).

MT II. třídy – polypeptidy se vzdálenou podobností živočišným metallothioneinům,

odlišné rozmístění Cys zbytků ve srovnání s MT I. třídy.

MT III. třídy – rostlinné metallothioneiny,

4–25 aminokyselin, M_r apometallothioneinů 400–2500.

Metallothioneiny (MT I) izolované z živočišných buněk různých organismů vykazují jistou podobnost a výskyt genetických odchylek je označován jako izoformy metallothioneinů I. třídy. Metallothioneiny podobné živočišným (MT II) byly nalezeny u kvasinek, sinic a hub. MT I a MT II jsou geneticky kódované strukturní proteiny a polypeptidy, které byly v mnoha případech sekvenovány a následně k nim izolovány příslušné geny¹. MT III jsou thiolové polypeptidy, vyskytující se v rostlinných organismech jako sekundární metabolity bez přímé genetické determinace. Tyto polypeptidy byly též nazývány kadystiny, fytochelatiny nebo γ -EC peptidy. Polypeptidy příbuzné homoglutathionu byly nazvány homofytochelatiny². Rostlinné metallothioneiny se strukturou (γ -Glu-Cys)_n-Gly, kde $n = 2$ –11, jsou nazývány fytochelatiny (PC). Pokud je koncová aminokyselina glycín nahrazena alaninem, serinem nebo glutamovou kyselinou, jsou tyto fytochelatiny označovány jako iso-PC. V případě, že koncová aminokyselina chybí, je používán název desglycyl-PC (cit.²).

Základy nomenklatury a klasifikace metallothioneinů byly dány na I. a II. konferenci o metallothioneinech v r. 1978 a 1985. V současné době je známo více než 170 aminokyselinových sekvencí metallothioneinů izolovaných z živočišných, rostlinných a mikrobiálních organismů a byla provedena řada fylogenetických analýz. Na základě nových informací byla navržena na IV. konferenci o metallothioneinech v Kansas City (1997) změna názvosloví a klasifikace proteinů nebo polypeptidů s vazbou kovu s ohledem na fylogenetické a důvodné změny v proteinech nebo ve struktuře genů. Základní definice metallothioneinů byla zachována v původním znění, ale na základě sekvenčních specifických charakteristik byly vytvořeny nové třídy, podle systematických skupin živých organismů. Podle stanovených kritérií s ohledem na výsledky sekvencí metallothioneinů statisticky validovanými fylogenetickými metodami byly vytvořeny tzv. podtřídy a podskupiny metallothioneinů³.

Savčí metallothioneiny jsou tvořeny peptidovým řetězcem obsahujícím 61 aminokyselin, kde se molekuly cysteinu nacházejí v jednotkách typu Cys-X-Cys, Cys-Cys-X-Cys-Cys a Cys-X-Cys-Cys (X je variabilní aminokyselinový zbytek bazických aminokyselin a serinu). V peptidovém řetězci živočišného metallothioneinu náleží cysteinu 20 poloh v různých typech jednotek; u metallothioneinů izolovaných z některých kvasinek a plísni obsahujících 25 aminokyselin byl rovněž potvrzen vysoký obsah cysteinu. Spolu s vysokým obsahem cysteinu je pro metallothioneiny charakteristická vazba iontů kovů pomocí thiolátů a tvorba cysteinyl-thiolátových klastrů s charakteristickým prostorovým uspořádáním. Pro řadu savčích metallothioneinů obsahujících Zn(II) a Cd(II) byla prokázána tetraedrická koordinace kovu čtyřmi atomy síry. Prostorový model tohoto proteinu byl navržen na základě spektroskopických studií a studií izotopicky značeného MT. Sedm vazebních míst pro kov je umístěno ve dvou oddělených klastrech A, B, přičemž klasstr A obsahuje čtyři vazebná místa, v klasstru B jsou obsažena tři vazebná místa⁴.

Na rozdíl od živočišných metallothioneinů jsou peptidy tvořené rostlinnými organismy v přítomnosti kovů homology glutathionu. Jejich strukturu lze obecně vyjádřit vzorcem (γ -Glu-Cys)_nR, kde R je koncová aminokyselina a může jí být glycín, serin, alanin či glutamová kyselina. Jednotka (γ -Glu-Cys) se v peptidovém řetězci opakuje 2–11 krát. V rostlinných organismech byl zaznamenán častější výskyt komplexů (γ -Glu-Cys)₂ a (γ -Glu-Cys)₃. Byly rovněž izolovány peptidy, u kterých v řetězci nebyla potvrzena koncová aminokyselina (desglycyl-peptidy). Podobně jako u živočišných metallothioneinů se předpokládá i u komplexů Cd(II) a Zn(II) s peptidy (γ -Glu-Cys)_nR tetraedrická koordinace kovu čtyřmi atomy síry. Tento předpoklad byl potvrzen pomocí EXAFS spektroskopie zatím pouze pro komplexy Cd(II) s polypeptidy (γ -Glu-Cys)_nGly (cit.⁵).

U rostlinných metallothioneinů jsou nejčastěji vázanými kovy Cd a Cu, oproti živočišným metallothioneinům, u nichž byla potvrzena nejčastěji přítomnost Cd a Zn. Měď je nejčastěji koordinována sírou jako Cu(I), a to jak u živočišných, tak rostlinných metallothioneinů. Koordinacní čísla a prostorové uspořádání peptidového řetězce koordinujícího měď jsou v současné době předmětem studia. Nejnovější výsledky rentgenografických studií potvrzují u živočišných metallothioneinů Cu-MT trigonální koordinaci Cu(I), u Cu-desglycylpeptidů izolovaných z kvasinek byla nalezena vedle digonální koordinace rovněž trigonální koordinace⁶.

Polypeptidy izolované ze zelené řasy *Chlorella* byly rovněž podrobeny aminokyselinové analýze. Z primární struktury těchto polypeptidů je zřejmá příbuznost ke glutathionu⁷, podobně polypeptid izolovaný z krásnočka zeleného, *Euglena gracilis*, byl rovněž charakterizován jako homolog glutathionu s nižší molekulovou hmotností a negativnějším nábojem, než je možné identifikovat u živočišných MT, a vysokým obsahem sulfidových iontů⁸.

Při analýze živočišných a rostlinných metallothioneinů se používají podobné postupy jako pro izolaci a identifikaci proteinů. Základní postup stanovení je různě modifikován, v zásadě však zahrnuje použití vylučovací a iontově výměnné chromatografie a chromatografii na reverzní fázi. Obtížnost a délka izolačního postupu závisí především na zdroji živočišného či rostlinného metallothioneinu a obsahu kovu, který je v molekule vázán. Na rozdíl od klasické analýzy speciací, kdy sledované analyty jsou přesně definovány, při identifikaci komplexů s kovy v biologických tkáních je situace zcela odlišná. Je třeba zvolit analytickou metodu, která je dostatečně účinná, aby bylo dosaženo separace jednotlivých izoforem a subizoforem metallothioneinů, zvolit selektivní detekční metody pro dané kovy a dosáhnout takové citlivosti stanovení, která umožní stanovit stopová množství metallothioneinu⁹.

2. Izolační postupy

Standardní izolační postup živočišných metallothioneinů z tkání zahrnuje přípravu surového extraktu a separaci gelovou a iontově výměnnou chromatografií¹⁰. Nejprve se připraví tkáňový homogenát živočišného materiálu nejčastěji v Tris HCl pufru, pH 7,4. Do pufru se přidává 0,25 M roztok sacharosy¹¹ nebo 0,25 M roztok glukosy¹². Dále je doporučována přítomnost antioxidantu: 2 mM roztoku dithiotreitolu (DTT) nebo 5 mM roztoku merkaptoethanolu (ME)¹³. K přípravě ex-

traktu je zpravidla používána centrifugace homogenátu tkáně při zatížení 100 000–170 000 × g. V jiných postupech je navíc zařazen krok tepelné nebo chemické denaturace a takto ošetřený homogenát je znova centrifugován při zatížení 10 000–40 000 × g (cit.¹⁴).

Podle typu rostlinného materiálu se volí pro izolaci rostlinných metallothioneinů různé postupy¹⁵. Prvním krokem izolačního postupu je po předchozí homogenizaci rostlinného materiálu¹⁶ extrakce Tris nebo fosfátovým pufrém o pH 7,2–8,2 (cit.¹⁷). Při přípravě extraktu z řas po předchozí sonikaci buněk¹⁸ je obvykle používán též Tris obsahující kromě merkaptoethanolu NaCl nebo KCl. Výsledný extrakt je připraven centrifugací homogenátu při různých přetíženích zvolených podle typu materiálu. Přetížení 105 000 × g po dobu 60 min bylo použito při centrifugaci homogenátu z rostlinných buněčných kultur¹⁷, homogenát z kořenových suspenzí byl centrifugován při 20 000 × g po dobu 20 minut¹⁶.

3. Metody stanovení nezahrnující separaci

3.1. Saturační metody

Saturační metody jsou založeny na vysycení vazebních míst v metallothioneinech kovy s vysokou afinitou k síře. Pro takové stanovení je používána Hg nebo Ag, byly vypracovány rovněž metody využívající vazby kadmia ke stanovení MT v tkáňových homogenátech. Specifita stanovení je zajištěna přídavkem hemoglobinu a následným oddělením tepelně stabilního CdMT (Cd-HEM metoda¹⁹). Srovnatelné parametry s CD-HEM metodou má metoda Cd-CHELEX (cit.²⁰).

3.2. I m u n o c h e m i c k é metody

RIA a ELISA metody jsou rychlé, přesné a citlivé (detekční limit menší než 1 pg). Nevýhodou těchto metod je však obtížná příprava protilátek, neschopnost kvantifikovat jednotlivé izoformy ve směsi a nemožnost získat informace o přítomnosti kovů. Tyto metody byly využity při stanovení nízkých koncentrací MT v krvi, plazmě a moči. Shodně vysokou citlivost imunologických metod pro identifikaci živočišných MT potvrzuje práce²¹ a rostlinných MT (cit.¹⁶).

3.3. Elektrochemické metody

Ke stanovení celkového obsahu metallothioneinů v různých typech tkáňových homogenátů je používána modifikovaná Brdičkova reakce²², jejíž výsledky dobře korelují jak s metodami saturačními²⁰, tak imunochemickými²¹. Tato metoda byla použita k identifikaci SH skupin přítomných v cyanobakteriálních MT (cit.²³) nebo v polypeptidech izolovaných z kořenové části vyšších rostlin²². Zvýšení citlivosti dostatečné i pro stanovení metallothioneinů v tělních tekutinách skýtá využití potenciometrické rozpouštěcí analýzy²⁴.

Další možnosti elektrochemických metod spočívají v rozlišení chování nekomplexovaných iontů kovů a iontů kovů vázaných v různých typech komplexů. Velká pozornost byla v této oblasti věnována zejména živočišným metallothioneinům obsahujícím Zn a Cd (cit.²⁵) i synteticky připraveným MT fragmentům²⁶. Z oblasti rostlinných metallothioneinů byly polarografickými a voltametrickými metodami studovány fyto-

chelatiny – a to izolované z *Agrostis capillaris* a *Phaelodium tricornutum*²⁷ nebo synteticky připravené peptidy (γ -Glu-Cys)₂-Gly a (γ -Glu-Cys)₃-Gly (cit.²⁸). Při použití rtuťové elektrody bylo pro Cd a Zn komplexy fytochelatinů pozorováno obdobné chování jako u metallothioneinů živočišných; v obou případech jsou voltamogramy či polarogramy komplikovány tvorbou sloučenin se rtutí. Při použití rtuťové elektrody s filmem trifenylosfinoxidu je tvorba těchto sloučenin potlačena a s použitím adsorptivního nahromadění bylo možné stanovit CdMT až v koncentracích 10^{-10} mol.l⁻¹ (cit.²⁹). Dále byly provedeny studie s různými typy uhlíkových elektrod. Při použití uhlíkové kompozitní elektrody³⁰ bylo možné selektivní stanovení apometalothioneinu, uhlíková kompozitní pastová elektroda byla použita pro studium tvorby Cd-komplexů v případě živočišného metallothioneinu³¹ a peptidu (γ -Glu-Cys)₂-Gly (cit.³²). Aplikace potenciometrické rozpouštěcí analýzy umožňuje pracovat s uhlíkovou kompozitní pastovou elektrodou ve stejně oblasti koncentrací jako při použití rtuťové elektrody³¹.

Ke stanovení celkového obsahu metallothioneinů byla dále navržena metoda stanovení Cu(I) komplexu, který vzniká po přidání měďnatých iontů do roztoku obsahujícího metallothionein v elektrochemické nádobce. S využitím adsorptivního nahromadění Cu(I)-komplexu na povrchu rtuťové kapky bylo pro živočišné metallothioneiny dosaženo citlivosti stanovení 10^{-10} mol.l⁻¹ (cit.³³), pro fytochelatiny ($n = 2-4$) citlivosti 10^{-9} mol.l⁻¹ (cit.³⁴).

4. Chromatografické metody

4.1. Vylučovací chromatografie

Vylučovací chromatografie (SEC) je nejčastěji používána k separaci komplexů s kovy podle velikosti molekul a k určení jejich zdánlivé molekulové hmotnosti. Ve vylučovací chromatografii se běžně používají silikagelové náplně, byl však u nich zaznamenán tzv. silanolový efekt způsobující ztrátu kovu v přítomnosti mobilních fází s nízkou iontovou silou. Proto byly testovány i další náplně na bázi organických polymerů, např. kopolymer styrenu a divinylbenzenu, který nevykazoval během separace extraktů výrazné interakce s kadmiem. Rozlišení SEC je však obvykle nedostatečné pro dělení malých peptidů odlišných pouze ve složení aminokyselin. Nejčastěji se tato technika používá ke stanovení molekulových hmotností pro separaci extraktů do frakcí obsahujících metallothioneiny³⁵. Extrakty z rostlinných³⁶ i živočišných¹⁰ tkání byly separovány vylučovací chromatografií na Sephadex G-75 nebo na Sephadex G-50. V jímaných frakcích byl stanoven obsah těžkých kovů metodou AAS nebo byly frakce analyzovány na obsah aminokyselin¹⁴. U zelené řasy *Scenedesmus quadricauda* po expozici kadmiem byl nízkomolekulární peptidový komplex s vysokým obsahem Cd rovněž izolován vylučovací chromatografií na Sephadex G-50. Byla studována závislost zdánlivé molekulové hmotnosti na iontové síle mobilní fáze³⁷. Vybrané aplikace SEC jsou uvedeny v tabulce I.

4.2. Ion tově výmenná chromatografie

Negativně i pozitivně nabité komplexy lze separovat iontově výmennou chromatografií. Nejčastěji se používají slabé

měniče aniontů s dimethylaminoethylovými funkčními skupinami v kombinaci s vodnými pufry a koncentračním gradiensem. Hunzinker a Kägi⁴² pomocí iontově výmenné chromatografie ve frakcích získaných vylučovací chromatografií potvrdili heterogenitu humánního MT v jaterním cytosolu. Podobně byly separovány iontově výmennou chromatografií negativně nabité izoformy metallothioneinu, izolované z různých tkáňových extractů. Stejně úspěšně byly separovány rostlinné metallothioneiny iontově výmennou chromatografií na koloně DEAE Sephadex A-25 s mobilní fází Tris HCl o pH 7,2–8. Při separaci proteinových komplexů z rostlinných materiálů, které obsahují nadbytek hnědého pravděpodobně fenoloxidásového produktu, se ukázal být učinnější silný měnič aniontů QAE-Sephadex A-25 než DEAE Sephadex A-25. Příklady aplikací separace metallothioneinů jsou rovněž uvedeny v tabulce I.

4.3. Affinitní chromatografie

K identifikaci převážně živočišných metallothioneinů byla též využita afinitní chromatografie, založená na silné interakci se specifickými ligandy. Cherian⁴⁴ izoloval živočišné MT na Sepharose-DTNB [5,5-dithio-bis-2(nitrobenzoová kyselina)]. Afinitní chromatografií lze vhodně využít k separaci apoproteinů, které jsou stabilní při nízkých pH a vykazují specifickou interakci s navázáným ligandem. Jak uvádí Rauscher³⁶, čistý proteinový komplex byl získán afinitní chromatografií na thiopropyl Sepharose-6B po předchozí separaci vylučovací chromatografií.

4.4. Reverzní HPLC

Pro separaci a ověření čistoty jednotlivých izoforem živočišných metallothioneinů je zpravidla požívána HPLC na reverzních fázích s chemicky vázaným oktylem nebo oktadecylem (RPC) v kombinaci s polární mobilní fází. Reverzní fáze se vyznačují vysokou účinností a neobsahují ligandy, které by mohly irreverzibilně vázat kovy. Běžně se používají mobilní fáze obsahující 10–50 mM roztoky pufrů s organickými modifikátory.

Apoizoformy jsou nejčastěji separovány gradientovou elucí v 0,1% TFA (cit.¹⁴). Rovněž jednotlivé formy rostlinných apometallothioneinů lze separovat v kyselém prostředí vyšše uvedenou metodou⁴⁵. Rozlišení jednotlivých izoforem závisí na pH.

V RPC se nejčastěji používá UV detekce, je však málo selektivní a vzhledem k nízkým koncentracím metallothioneinů v biologických vzorcích je málo citlivá. Živočišné, jím podobné metallothioneiny a rostlinné metallothioneiny neobsahují aromatické kyseliny, a nevykazují tudíž absorbanci při 280 nm. Proto se často k identifikaci SH skupin využívá předkolonová nebo postkolonová derivatizace Elmannovým činidlem [DTNB – (5,5-dithiobis-2-nitrobenzoovou kyselinou] a výsledný produkt je detegován při 410 nm (cit.⁴⁶). Obdobný postup, pouze s odlišným složením mobilní fáze, byl použit k identifikaci sedmi izoforem metallothioneinu izolovaného ze sinice *Synechococcus TX-20* (cit.²³). Rovněž rostlinné metallothioneiny byly separovány na kolonách s reverzní fází C-18 s gradientovou elucí v acetonitrilu a trifluoroctové kyselině⁴⁵ nebo kyselině fosforečné³⁷.

Fluorimetrická a elektrochemická detekce jsou ve srovnání s UV spektrofotometrickou detekcí mnohem selektivnější

Tabulka I
Vybrané metody pro separaci metallothioneinů

Materiál	Extrakce	Mobilní fáze	Metoda	Detekce	Lit.
Řasa <i>Dunaliella tertiolecta</i>	10 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 7,4, 10 mmol.l ⁻¹ KCl, 1,5 mmol.l ⁻¹ MgCl ₂ , 50 mmol.l ⁻¹ ME	50 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 7,8	SEC, Sephadex G-50	UV detekce	38
Řasa <i>Scenedesmus subspicatus</i>	10 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 7,8, 100 mmol.l ⁻¹ NaCl	10 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 7,8, 100 mmol.l ⁻¹ NaCl	SEC, Sephadex G-50	UV detekce	7
Řasa <i>Chlamydomonas reinhardtii</i>	10 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 8,5	10 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 8,5, 0,02% NaN ₃	SEC, Sephadex G-75	UV detekce	39
Řasa <i>Chlorella vulgaris</i>	10 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 8,5	20 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 8, 100 mmol.l ⁻¹ KCl	SEC, Sephadex G-50	UV detekce	40
Řasa <i>Scenedesmus quadricauda</i>	CHCl ₃ /CH ₃ OH/H ₂ O, 1% SDS	10 mmol.l ⁻¹ Bicin +1% SDS	SEC, Sephadex G-75	UV detekce	41
Řasa <i>Chlorogonium elongatum</i>	50 mmol.l ⁻¹ Na ₂ HPO ₄ , pH 8, 10 mmol.l ⁻¹ ME	50 mmol.l ⁻¹ Na ₂ HPO ₄ , pH 8 10 mmol.l ⁻¹ ME, 500 mmol.l ⁻¹ NaCl, 5 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 8, 1 mol.l ⁻¹ KCl	IEC, DEAE- cellulose, SEC, Sephadex G-50	UV detekce	43
Řasa <i>Dunaliella tertiolecta</i>	25 mmol.l ⁻¹ Na ₂ HPO ₄ , pH 6, +25 mmol.l ⁻¹ DTT, 100 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 8,5, +2% SSA, pH 7,	15 mmol.l ⁻¹ octan sodný, izokratická eluce	RPC, C ₁₈ Beckman Ultrasphere (5 µm)	fluorescenční detekce ex. 340 nm, em. 420 nm, derivativace OPA	57
Buněčná kultura	100 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 8	42 mmol.l ⁻¹ kyselina octová, pH 4, 0,64 mmol.l ⁻¹ octan sodný, tetraketylamonium bromid, 18% acetonitril	RPC C ₁₈ , Adsorbosphere	fluorescenční detekce, derivativace monobromobimanem	58
Buněčná kultura	5-sulfosalicylová kyselina	gradientová eluce, kyselina fosforečná, acetonitril	RPC, Ultrasphere C ₁₈	detekce při 412 nm, postkolonová derivativace DNTB	45
Tabáková kultura	10 mmol.l ⁻¹ Tris, 5 mmol.l ⁻¹ NaCl, pH 8, ME	0,1% TFA, acetonitril	RPC, Waters C ₁₈	detekce při 412 nm, postkolonová derivativace DNTB	6
Vyšší rostliny	50 mmol.l ⁻¹ Tris, 10 mmol.l ⁻¹ DTT, pH 8	gradientová eluce 0,05% TFA, methanol	RPC, Hypersil C ₁₈	ICP MS detekce, detekce při 412 nm, post- kolonová derivativace, DNTB, MS-MS	69
Kořenová kultura, kvasinky	50 mmol.l ⁻¹ HEPES, 50 mmol.l ⁻¹ Tris, 1 mmol.l ⁻¹ PMSF, 1% Tween, pH 8,6	gradientová eluce 0,1% TFA, acetonitril	RPC, Nucleosil C ₁₈	MS-MS, derivativace TNB	70
Kořený rostlin	Tris tricinový pufr	100 mmol.l ⁻¹ Tris tricinový pufr, pH 8,3	CGE	UV detekce	64
Eukaryota	10 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 9	elektrolyt 50 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 9,1	CZE	UV detekce	65
Kořenová kultura	1 mol.l ⁻¹ NaOH, 0,1% NaBH ₄	100 mmol.l ⁻¹ borátový pufr, pH 8,5	CZE	detekce při 380 nm, derivativace ABD-F	66
Řasa <i>Chlamydomonas reinhardtii</i>	10 mmol.l ⁻¹ fosfátový pufr, pH 7	0,1% TFA, acetonitril	RPC, Econosphere C ₁₈	detekce při 412 nm, postkolonová derivativace DNTB	71
Sinice	10 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 8, 1 mmol.l ⁻¹ DTT	50 mmol.l ⁻¹ Tris, 200 mmol.l ⁻¹ (NH ₄) ₂ SO ₄ , 0,1 mmol.l ⁻¹ EDTA, pH 7	SEC, Asahipak GFA-30F	ICP MS detekce	72
Živočišný MT	20 mmol.l ⁻¹ Tris HCl, pH 8, sacharosa	120 mmol.l ⁻¹ Tris, pH 7,5	SEC, Superose 12	ICP MS detekce	10
Buněčná kultura	10 mmol.l ⁻¹ Tris, 10 mmol.l ⁻¹ KCl, 1,5 mmol.l ⁻¹ MgCl ₂ , pH 7	10 mmol.l ⁻¹ Tris, 0,9% NaCl, 1,5 mmol.l ⁻¹ MgCl ₂ , pH 7	SEC, Asahipak GSICP, 520HQ	MS detekce, ESI MS	73
Buněčná kultura	20 mmol.l ⁻¹ Tris, 10 mmol.l ⁻¹ ME, pH 8,6	10 mmol.l ⁻¹ octan ammoný, pH 7	SEC, Eurogel GFC	ICP MS detekce, ESI MS, detekce při 412 nm, postkolonová derivativace	74

Tabulka I – pokračování

Materiál	Extrakce	Mobilní fáze	Metoda	Detekce	Lit.
Tabáková kultura	10 mmol.l ⁻¹ Tris, 10 mmol.l ⁻¹ KCl, 1,5 mmol.l ⁻¹ MgCl ₂ , pH 7,4, ME	50 mmol.l ⁻¹ Tris, 150 mmol.l ⁻¹ NaCl, pH 7	SEC, Spherogel TSK 3 000 SW	off line – radiochemická detekce	18

a citlivější. Vývoj derivatizačních metod s fluorescenční detekcí byl směřován k rychlé analýze a možnosti stanovit stopová množství vzorků. Pro analýzu aminokyselin⁴⁷ a stanovení glutathionu⁴⁸ iontově výměnnou chromatografií byla zpočátku používána derivatizační činidla jako *o*-ftaldehyd (OPA) a fenylyisothiokyanát (PITC) (cit.⁴⁹). Předkolonové derivativace s 9-fluorenylmethyl chlormravenčanem (FMOC-Cl), výše uvedená derivatizační činidla a dansyl (dabsyl) chloridy byly rovněž použity ke stanovení aminokyselin iontově výměnnou chromatografií ve spojení s fluorescenční detekcí⁵⁰.

V poslední době byla vyvinuta nová metoda RPC pro analýzu aminokyselin⁴⁷, polyamini⁵¹ a nehydrolyzovaných peptidů⁵², založená na derivativaci primárních a sekundárních aminoskupin s 6-aminochinolyl-N-hydroxysukcinimidylkarbamátem (AQC). K identifikaci glutathionu a dalších peptidů obsahujících sirté aminokyseliny fluorimetrickou detekcí bylo využito předkolonové derivativace s 7-fluorbenzo-2-oxa-1,3-diazol-4-sulfonátem amonným (SBD-F) (cit.⁵³) nebo monobromobimanem⁵⁴.

Elektrochemické detekce bylo použito k analýze peptidů obsahujících cystein a charakterizaci jejich chromatografického chování na reverzní fázi⁵⁵. Glutathion, cystein a jejich oxidované formy byly stanoveny RPC s elektrochemickou detekcí jak v živočišných tkáních, tak i v rostlinných vzorcích. Nízkých detekčních limitů při stanovení obou forem cysteinu a glutathionu bylo rovněž dosaženo RPC s elektrochemickou detekcí na modifikovaných elektrodách. Elektrochemická detekce peptidů byla testována HPLC na kapilárních kolonách. Po derivativaci biuretovým činidlem byly peptidy detegovány na uhlíkové elektrode⁵⁶.

5. Elektroforetické metody

Elektroforéza v polyakrylamidovém gelu s dodecylsulfátem sodným (SDS-PAGE) je velmi používaná separační metoda pro identifikaci proteinů a k určení jejich molekulových hmotností. Po předchozí karboxymethylaci metallothioneinů a následném barvení stříbrem nebo Coomasovou modří CB-250 se analyty zpravidla detegují denzitometricky při 570 nm. Obdobný způsob barvení gelu při separaci rostlinného metallothioneinu použili Roesijadi a spol.⁶⁰. Zpravidla se používá 18–20 % polyakrylamidový gel v pufrovacím systému. Analogickým postupem byl v tkáňovém cytosolu stanoven živočišný metallothionein spolu s glutathionem. U zelené řasy *Scenedesmus quadricauda* byl metodou SDS-PAGE identifikován protein s M_r 8100 a rovněž byla touto metodou zaznamenána změna indukce proteinů u vodních rostlin vystavěných zátěži Hg a Pb.

Kapilární elektroforéza (CE) se stala v poslední době

nejprogresivnější analytickou metodou. Je to dáno jejími výhodami, mezi něž patří zejména vysoká separační účinnost, rychlosť a jednoduchost provedení, rychlý vývoj analytické metody a minimální spotřeba vzorku a chemikálií. V kapilární zónové elektroforéze (CZE) se látky separují v elektrickém poli podle velikosti poměru náboje ku hmotnosti. I neutrální látky lze separovat v CE, přidáme-li do základního elektrolytu nabité micely (micelární elektrokinetická chromatografie, MEKC). Významné aplikace CE zahrnují analýzy proteinů a biologických peptidů. Vysoká účinnost CE umožňuje nejen separaci izoforem MT, ale umožňuje i další rozdělení do podskupin. Využívají se různé pufry jako základní elektrolyty, např. fosfát, borát, Tris, Tris borát atd. Základními požadavky na použité pufry jsou nízká elektrolytická vodivost a nízká absorbance v UV oblasti. Při separacích se používají jak nemodifikované křemenné kapiláry, tak kapiláry s modifikovaným vnitřním povrchem, u nichž je potláčena sorpce proteinů. UV detekce při 214 nm, běžně používaná v HPLC a v CE, je však obvykle málo citlivá a málo selektivní. Derivativace –SH skupin s ABD-F činidlem (4-aminosulfonyl-2,1,3-benzoxadiazol) dovoluje selektivní detekci při 380 nm (cit.⁶¹).

CE byla využita hlavně u živočišných MT (cit.⁶²). Tris tricinový puf, pH 7,5 v kombinaci s detektorem s diodovým polem byl použit k charakterizaci izoforem živočišných MT. Vliv pH, teploty, složení a koncentrace pufru na CZE separaci živočišných MT byl studován v práci⁶³.

CE analýza rostlinných MT je mnohem komplikovanější, neboť jejich UV absorpcie i stabilita jsou nižší a standardní látky nejsou k dispozici. Vysokou účinnost CE při separaci rostlinných MT dokumentuje práce⁶⁴, kde MT o molekulové hmotnosti 10 000, identifikovaný jako chemické individuum SDS-PAGE metodou, se v CE rozštěpil na několik dalších látek.

6. Přímé spojení HPLC a CE s dalšími detekčními metodami

6.1. AAS detekce

Klasický postup při identifikaci metallothioneinů spočívá v separaci extraktů na jednotlivé frakce, v nichž se stanoví obsah kovů off-line metodou. Daleko výhodnější je přímé spojení chromatografické separace se specifickým detektorem, mezi něž patří atomová absorpční spektrometrie (AAS), atomová emisní spektrometrie s indukčně vázaným plazmatem (ICP AES), hmotnostní spektrometrie s indukčně vázaným plazmatem (ICP MS) a hmotnostní spektrometrie s ionizací za atmosférického tlaku (ESI MS /MS).

Kovy, které se přednostně váží do MT (Cd, Cu, Zn), patří mezi prvky, které dávají nejcitlivější odezvu v AAS (cit.¹²).

Plamenová AAS je kompatibilní s průtokem a s mobilními fázemi používanými v HPLC (cit.³⁵). Základní interface je velmi jednoduchý. Výstup z UV detektoru je zapojen ke zmlžovači atomového absorpčního spektrometru a Cd, Cu a Zn jsou stanovovány při 228,8 nm (Cd), 324,8 nm (Cu) a 213,8 nm (Zn). Kromě tohoto typu interface byla použita různě modifovaná spojení HPLC s AAS, která umožnila dosažení nižších detekčních limitů (ng) ve vodných i methanolových fázích. Mikroatomizační interface s křemennou trubicí plněnou vodíkem umožňuje pracovat pouze s vodnými fázemi, avšak ve srovnání s předchozími technikami je citlivější. Vzhledem k tomu, že HPLC-AAS není multielementární technika, je využívána především k identifikaci izoforem metallothioneinů po předchozí saturaci kovem³⁵. Výhodou HPLC-AAS techniky je především jednoduchost spojení, kompatibilita s mobilními fázemi používanými v HPLC a široká použitelnost.

6.2. ICP AES a ICP MS detekce

ICP AES je velmi citlivá a selektivní metoda ke stanovení prvků. Pomocí této metody lze získat informace nejen o celkovém obsahu kovu, ale současně s kovy je možné monitorovat i síru. Problémem ICP AES detekce je nízká tolerance k organickým rozpouštědlům i přítomným solím. Maximálně je tolerováno 10 % organického modifikátoru v mobilní fázi a 50 mM roztoky pufrů⁶⁷. Podobně je tomu u ICP MS, která však má ve srovnání s ICP AES tu výhodu, že umožňuje současně stanovit více kovů i jejich izotopů a s vyšší citlivostí. Nevýhodou je vysoká cena přístroje a vysoké provozní náklady. Bylo popsáno několik typů interface. V případě klasického spojení, přímého zavedení výstupu z kolony do zmlžovače (pneumatická nebulizace), zhoršují organická rozpouštědla stabilitu plazmy a způsobují depozici uhlíku. Vysoká koncentrace solí blokuje zmlžovač a dávkovač. Další typ interface (DIN – direct injection nebulizer), kdy dochází k přímému nástřiku kapalného vzorku do centrálního kanálu kužele plazmy, se většinou používá pro méně stabilní vzorky komplexů se rtutí. Při nízkých průtocích methanolických mobilních fází je vhodný hydraulický vysokotlaký nebulizér (HHPN), který je méně citlivý na obsah solí v mobilní fázi s nižší depozicí uhlíku³⁵.

Bylo rovněž popsáno několik typů spojení kapilární elektroforézy s ICPMS. Hlavní problémy v této technice způsobují malé objemy vzorků (10–100 µl), které vyžadují vysokou citlivost detekce a velmi nízké průtoky (1–5 µl·min⁻¹), což omezuje volbu zmlžovače. Některá spojení byla testována pro charakterizaci izoforem metallothioneinů³⁸.

6.3. HPLC - ESI MS (/MS) detekce

Metodou ESI MS lze získat několikanásobně nabité stabilní ionty i pro velké molekuly, jako jsou proteiny, bez předchozí fragmentace. Ze záznamů ESI spektra lze tak získat přesné informace o molekulových hmotnostech analyzovaných látek. ESI MS metodou lze určit, jaké kovy a v jakém množství jsou vázány v MT, určit molární distribuci a relativní zastoupení různých komplexů. V MS/MS technikách se data získávají po disociaci nabitych iontů při kolizi s neutrálním plynem. Hodnoty *m/z* produktů disociace se pak měří v dalším hmotnostním analyzátoru⁶⁸. Při použití ESI techniky je možnost zvýšit fragmentaci až na jednotlivé ionty.

V současné době je metoda ESI MS testována pro charakterizaci izoforem živočišných metallothioneinů a jejich komplexů s kovy³⁵. Ve vzorku živočišného MT-2 byla potvrzena přítomnost dvou izoforem, které se odlišují 30 hmotnostními jednotkami, a charakteristická spektra apoproteinu a kovem saturovaného proteinu v kyselém a alkalicím prostředí poskytla informace o množství a totožnosti kovů vázaných v proteinu. Metoda ESI MS ve spojení s HPLC byla použita k charakterizaci jak živočišných, tak rostlinných metallothioneinů.

Spojení CE s ESI MS je teoreticky poměrně jednoduché, protože průtokové rychlosti v CE a v ESI MS jsou obdobné (1–10 ml·min⁻¹). Jedná se o velmi citlivé zařízení.

7. Závěr

Studium komplexů s kovy je důležité pro pochopení jejich funkcí. K objasnění všech funkcí metallothioneinů vede izolace těchto polypeptidů a jejich charakterizace vhodně zvolenými analytickými metodami.

Interpretace údajů o metallothioneinech závisí na konkrétních experimentálních podmínkách. Indukce metallothioneinů závisí na koncentraci kovových iontů v živném médiu, způsobu kultivace a délce expozice rostlinného materiálu. Způsob zpracování biologického materiálu spolu s použitými analytickými metodami hraje významnou roli při výsledné charakterizaci rostlinných metallothioneinů. Charakterizace vyžaduje vysokoučinné separační metody (metoda SEC, RPC, CE). Tyto metody je třeba kombinovat se selektivními detektory (AAS, ICP MS, ESI MS). Vedle separačních metod jsou velmi účinné elektrochemické metody.

Tato publikace je součástí řešení výzkumného záměru MSM 113 100002 a projektu GAČR 204/97/K0 84, MŽP VaV/340/2/97 a Oxford Colleges Hospitality Scheme 1999.

LITERATURA

- Kägi J. H. R., Schäfer A.: Biochemistry 27, 8510(1988).
- Zenk W.: Gene 179, 21 (1996)
- Binz P. A., Kägi J. H. R., v knize: *Metallothionein IV* (Klaassen C., ed.), str. 7. Birkhäuser Verlag, Basel 1999.
- Robins A. H., Stout C. D., v knize: *Metallothioneins* (Stillman M. J., Shaw C. F., Suzuki K. T., ed.), str. 31. VCH Publishers, Inc. New York 1992.
- Kotrba P.: Collect. Czech. Chem. Commun. 64, 1057 (1999)
- Stillman M. J.: Coord. Chem. Rev. 144, 461 (1995).
- Gekeler W., Grill E., Winnacker E. L., Zenk M. H.: Arch. Microbiol. 150, 197 (1988).
- Shaw C. F., Petering D. H., Weber D. N., Gingrich D. J., v knize: *Metal Ion Homeostasis* (Winge D., Hamer D., ed.). Alan R. Liss, New York 1989.
- Lobinski R., Gautier M. P.: Anal. Magazine 261, 21 (1998).
- Vašák M., v knize: *Methods in Enzymology 205* (Riordan J. F., Vallee B. L., ed.), str. 452. Academic, New York 1991.
- Beattie J. H., Richards M. P., Self R.: J. Chromatogr. 632, 127 (1993).
- Suzuki K. T., Sunaga E., Kobayashi E., Sugihira N.: J. Chromatogr. 442, 345 (1987).
- Van Beek H., Baars A. I.: J. Chromatogr. 400, 233 (1988).
- Richards M. P.: Comp. Biochem. Physiol. 93A, 811 (1989).

15. Domažlická E., Vodičková H., Mader P.: Biol. Listy 59, 81 (1994).
16. Rauser W. E.: Plant Science 57, 37 (1988).
17. Reese R. N., Wagner G. J.: Plant Physiol. 84, 547 (1987).
18. Reddy G. N., Prasad M. N. V.: Curr. Sci. 58, 1380 (1989).
19. Havrdová J., Tichý M.: Prakt. Lek. 41, 347 (1989).
20. Bartsch, R., Klein D., Summer K. H.: Arch. Toxicol. 64, 177 (1990).
21. Hogstrand C., Haux C.: Comp. Biochem. Physiol. 100C, 137 (1989).
22. Olafson R. W., Olson P. E.: Meth. Enzymol. 205, 205 (1991).
23. Olafson R. W.: Biochem. Bioenerg. 19, 111 (1988).
24. Tomschik M., Havran L., Paleček E., Heyrovský M.: Electroanalysis 12, 274 (2000).
25. Dabrio M., Rodríguez A. R.: Electroanalysis 12, 1026 (2000).
26. Díaz-Cruz M. S., Mendieta J., Monjonell A., Tauler R., Esteban M.: Anal. Chim. Acta 385, 353 (1999).
27. Scarano G., Morelli E.: Electroanalysis 10, 39 (1998).
28. Šestáková I., Vodičková H., Mader P.: Electroanalysis 10, 764 (1998).
29. Fedurco M., Šestáková I.: Bioelectrochem. Bioeneg. 40, 223 (1996).
30. Šestáková I., Miholová D., Vodičková H., Mader P.: Electroanalysis 7, 237 (1995).
31. Šestáková I., Kopanica M., Havran L., Paleček E.: Electroanalysis 12, 100 (2000).
32. Šestáková I., Mader P.: Cell. Mol. Biol. 46, 237 (2000).
33. Scarano G., Morelli E.: Electroanalysis 8, 396 (1996).
34. Scarano G., Morelli E.: Anal. Chim. Acta 319, 13 (1996).
35. Lobinski R., Chassaigne H., Szpunzar J.: Talanta 46, 271 (1998).
36. Rauser W. E.: Annu. Rev. Biochem. 59, 61 (1990).
37. Baunemann R., Hofner W.: Z. Pflanzenernaehr. Bodenk. 154, 81 (1991).
38. Szpunzar J., Chassaigne H., Donard O. F. X., Bettmer J., Lobinski R., v knize: *Plasma Source Mass Spectrometry* (Holland G., Tanner S. D., ed.), str. 131. The Royal Society of Chemistry, Cambridge 1997.
39. Collard J. M., Matagne R. F.: Environ. Exp. Bot. 34, 235 (1994).
40. Kaplan D., Heimer Y. M., Abeliovich A., Goldsbrough P. B.: Plant Sci. 109, 129 (1995).
41. Maeda S., Miyoguchi M., Ohki A., Inanaga J., Takeshita T.: Chemosphere 21, 965 (1990).
42. Hunzinker P. E., Kägi J. H. R: *Essential and Toxic Trace Elements in Human Health and Disease*, str. 349. Academic, New York 1988.
43. Ochi T.: Chem.-Biol. Interact. 65, 1 (1988).
44. Cherian M. G.: Sborník konference 3rd IUPAC Cadmium Workshop, Juelich 1985, str. 227. Springer, Wien 1988.
45. Tukendorf A., Rauser W. E.: Plant Sci. 70, 155 (1990).
46. Grill E., Lofler S., Winnacker E. L., Zenk M. H.: Biochemistry 86, 6838 (1989).
47. Hill D. W., Walters F. H., Wilson T. D., Stuart J. D.: Anal. Chem. 51, 1338 (1979).
48. Mokrasch L. C., Teschke E. J.: Anal. Biochem. 140, 506 (1984).
49. Heinrikson R. L., Meredith A. K.: Anal. Biochem. 136, 65 (1984).
50. Wandelen Ch., Cohen S. A.: J. Chromatogr. 763, 11 (1997).
51. Merali S., Clarkson A. B.: J. Chromatogr. 675, 321 (1996).
52. Antonis K. M., Brown P. R., Cheng Y.-F., Cohen S. A.: J. Chromatogr. 661, 279 (1994).
53. Oe T., Ohyagi T., Naganuma A.: J. Chromatogr. 708, 285 (1998).
54. Ahner B. A., Kong S., Morel F. M. M.: Limnol. Oceanogr. 40, 658 (1995).
55. Bordin G., Raposo F. C., Rodriguez A. R.: Chromatographia 39, 146 (1994).
56. Shen H., Witowski S. R., Boyd B. W., Kennedy R. T.: Anal. Chem. 71, 987 (1999).
57. Agrawal S. B., Agrawal M., Lee E. H., Kramer G. F., Pillai P.: Environ. Exp. Bot. 32, 145 (1992).
58. Ahner B. A., Kong S., Morel M. M.: Limnol. Oceanogr. 40, 649 (1995).
59. Mendum M. L., Gupta S. C., Goldsbrough P. B.: Plant Physiol. 93, 484 (1990).
60. Roesjadi G., Kielland S., Klerks P.: Arch. Biochem. Biophys. 273, 403 (1989).
61. Kubota H., Sato K., Yamada T., Maitani T.: J. Chromatogr., A 803, 315 (1998).
62. Richards M. P., Beattie J. H., Self R.: J. Chromatogr. 632, 127 (1993).
63. Virtanen V., Bordin G., Rodriguez A.-R.: J. Chromatogr., A 734, 391 (1996).
64. Mori A., Leita L.: J. Plant Nutr. 21, 2335 (1998).
65. Richards M. P., Beattie J. H., Self R.: J. Chromatogr. 16, 2113 (1993).
66. Maitani T., Kubota H., Sato K., Yamada T., v knize: *Metallothioneins IV* (Klaassen C., ed.), str. 201. Birkhäuser Verlag, Basel 1999.
67. Kubota H., Sato K., Yamada T., Maitani T.: Plant Sci. 106, 157 (1995).
68. Yates J. R. A., McCormack L., Link A. J., Schieltz D., Eng J., Hays L.: Analyst 121, 65 (1996).
69. Corr J. J.: J. Anal. At. Spectrom. 12, 537 (1997).
70. Meuwly P., Thibault P., Rauser W. E.: FEBS Lett. 336, 472 (1993).
71. Howe G., Merchant S.: Plant Physiol. 98, 127 (1992).
72. Takatera K., Osaki N., Yamaguchi H., Watanabe T.: Anal. Sci. 10, 567 (1994).
73. Beattie J. H.: Talanta 46, 255 (1998).
74. Leopold I., Günther D., Neumann D.: Analisis 26, M28 (1998).

H. Vodičková^a, V. Pacáková^b, I. Šestáková^c, and P. Mader^a (^aDepartment of Chemistry, Faculty of Agronomy, Czech University of Agriculture, Prague, ^bDepartment of Analytical Chemistry, Faculty of Science, Charles University, Prague, ^cJ. Heyrovský Institute of Physical Chemistry, Academy of Sciences of the Czech Republic, Prague): **Analytical Methods for Determination of Metallothioneins**

The review deals with analytical methods for determination of plant metallothioneins. Special attention is given to chromatographic and electrophoretic methods and their combination with selected detection techniques (AAS, MS, ICP MS). Very useful in the characterization of metallothioneins are voltammetric methods. Isolation procedures are also discussed.